

	氏名	研究課題	所属	課題番号
1	村瀬 浩司	植物の生殖システムに関する研究	東京大学大学院 農学生命科学研究科	#2301
2	望月 伸悦	葉緑体における翻訳や代謝シグナルに関わるGUN1タンパクの生化学的特性と生理機能の解析	京都大学大学院 理学研究科生物科学専攻	#2302
3	西田 帆那	根粒共生遺伝子のイメージングを用いた窒素栄養による根粒形成及び窒素固定抑制機構の解析	農業・食品産業技術総合研究機構	#2303
4	高木 純平	マメ科植物の根粒形成と成長相転換制御における栄養シグナル伝達系の役割	北海道大学・大学院理学研究院	#2304
5	野元 美佳	サリチル酸シグナルの主要制御因子であるNPR1が標的とする新規転写因子の探索	名古屋大学遺伝子実験施設	#2305
6	樋口 洋平	アサガオの光周性花成におけるBBX転写因子の機能解析	東京大学大学院農学生命科学研究科	#2306
7	藤本 龍	<i>Brassica rapa</i> の春化制御機構の解明を目指して	神戸大学大学院農学研究科	#2307
8	古谷 朋之	非典型BZR転写因子の分子機能の植物種間比較解析	立命館大学 生命科学部	#2308
9	石田 喬志	核内倍加周期に連動した細胞成長と細胞壁組成の再編を担う遺伝子群の探索	熊本大学・大学院先端科学研究部	#2309
10	梅原 三貴久	マイクロトムにおける葉間期制御遺伝子の機能解析	東洋大学 生命科学部 応用生物科学科	#2310
11	星川 健	耐暑性及び感受性トマトの表現型解析	国際農林水産業研究センター	#2311
12	Gregg A. Howe	トマトにおける生育-防衛トレードオフの新規な脱共役戦略	Michigan State University	#2312
13	松井 健二	植物の揮発性化合物受容を可視化する形質転換植物の作出	山口大学創成科学研究科	#2313
14	瀬戸 義哉	トマトを利用した「非典型的」ストリゴラクトンの機能解析	明治大学農学部	#2314
15	牧 慎也	植物病抵抗性遺伝子を有するジャガイモ野生種を利用したMESO培地作用メカニズムの解明および物質の同定	長岡技術科学大学大学院	#2315
16	北川 宗典	マイクロトムを用いた順遺伝学的アプローチによる接ぎ木適合性決定因子の同定	中国・武漢 華中農業大学	#2316
17	白澤 健太	未開拓植物資源のゲノム基盤整備	かずさDNA研究所	#2317
18	朝比奈 雅志	代謝改変によりL-DOPAを生産する植物の生理学的解析	帝京大学・理工学部・バイオサイエンス学科	#2318
19	佐藤 長緒	栄養シグナルによるトマト果実形成とソース-シンク機能制御機構の解明	北海道大学	#2319
20	三好 悠太	イチゴ高収量化に向けた果実への転流動態の評価	国立研究開発法人量子科学技術研究開発機構 高崎量子応用研究所	#2320
21	浅水 恵理香	サツマイモネコブセンチュウレース検定を容易にするレポーターシステム構築	龍谷大学農学部生命科学科	#2321

	氏名	研究課題	所属	課題番号
22	池田 裕樹	タマネギの生産性に寄与する遺伝子の機能解析	宇都宮大学農学部附属農場	#2322
23	瀬上 修平	水ナスがもつ多汁性遺伝子の同定と機能検証	地方独立行政法人大阪府立環境農林水産総合研究所	#2323
24	山田 泰之	多様なイソキノリンアルカロイドの生合成および遺伝子発現制御機構の解明	神戸薬科大学 医薬細胞生物学研究室	#2324
25	尹 永根	トマトデンブン欠損系統における器官間炭素分配の解析	国立研究開発法人量子科学技術研究開発機構 高崎量子応用研究所	#2325
26	川本 望	合成生物学アプローチによる植物成長角度の操作と理解	自然科学研究機構 基礎生物学研究所	#2326
27	富永 基樹	遺伝子組換えカメラナの隔離ほ場栽培に向けた調査	早稲田大学 教育・総合科学学術院	#2327
28	神田 恭和	天然化合物を用いたチョウ目害虫抵抗性付与技術の基盤確立	農研機構生物機能利用研究部門	#2328
29	保富 康宏	E型肝炎ウイルス粒子 (VLP) を用いた食べるワクチンの開発	国立研究開発法人 医薬基盤・健康・栄養研究所 霊長類医科学研究センター	#2329
30	田副 雄士	C4光合成のCO2濃縮効率の最適化を目指したC4植物ソルガムの形質転換	新潟食料農業大学	#2330
31	別役 重之	植物-微生物相互作用解析のためのプロモーターレポータートマト株の作出と整備 3	龍谷大学 農学部	#2331
32	深見 克哉	海外遺伝資源の利用についての包括利用の可能性研究 (具体的事例に取り組みながら)	九州大学 有体物管理センター	#2332
33	田中 啓介	マイクロサテライトプロファイリングデータを用いた遺伝資源データベースの構築	東京情報大学・総合情報学部 総合情報学科 データサイエンス学系	#2333